

## Informationen für Einsender

## Blutentnahme und Versand von Proben zur Mutationsbestimmung an zellfreier DNA (cfDNA)

### Blutentnahme

Bitte vermeiden Sie Scherkräfte während der Blutabnahme und verwenden spezielle, von uns versandte Röhrchen für den Transport, da andernfalls freigesetzte DNA aus lysierten Blutleukozyten die Analysesensitivität beeinträchtigen kann.

*PAXGene-Röhrchen*



*Butterfly-System mit großem  
Nadeldurchmesser (G21 oder G19)*



*Blutkulturadapter*



Verwenden Sie das Butterfly-System nach Herstellerangaben. Schließen Sie den Blutkulturadapter unten an die Führungshülse an. Der Blutkulturadapter besitzt eine Nadel (umhüllt von Silikon), mit der man durch den Stopfen der Röhrchen durchstechen kann. Versuchen Sie, die Nadel mittig im Stopfen durchzustechen, da hier der Stopfen am dünnsten



ist. Falls kein Blut in das Röhrchen läuft, erneut den Stopfen durchstechen. Bitte beachten Sie, dass in dem PAXGene-Röhrchen kein Unterdruck herrscht und die Blutabnahme dadurch länger als gewöhnlich dauert.

Wenn die Füllmenge von mindestens 6 ml bis 10ml (volles Röhrchen) erreicht ist oder kein Blut mehr rinnt, ziehen Sie das PAXGene-Röhrchen aus dem Blutkulturadapter. Es werden 2-3 Röhrchen pro Patient für die Analyse benötigt



Die PAXGene-Röhrchen müssen nun 10-mal vollständig invertiert werden, um das Blut mit dem enthaltenen Konservierungsmittel zu mischen.

### Probenversand

1. Bitte kein Probenversand am Freitag! Bitte kein Probenversand per Post! Transport stets UNGEKÜHLT!
2. Probeneingang im Labor innerhalb von 48 Stunden (PAXGene) nach Abnahme erforderlich!
3. Proben bitte vorab telefonisch ankündigen und am Tag der Entnahme verschicken!
4. Bitte auf Haltbarkeit der Röhrchen achten!

Bitte versenden Sie die Probe nach Verpackungsanweisung P650 bzw. DIN EN 829. Der Primärbehälter enthält die Probe in einer Sekundärverpackung, mit Aufsaugfließ fixiert, in einer geprüften Außenverpackung. Die Außenverpackung bitte mit Aufschrift „Eiliger Probentransport“ und "Liquid Biopsy" kennzeichnen.

Quelle: Streubel A, et al. Comparison of different semi-automated cfDNA extraction methods in combination with UMI-based targeted sequencing. *Oncotarget*. 2019;10(55):5690-5702. Published 2019 Oct 1

